



بررسی عوامل ژنتیکی و محیطی ناشنوایی در ۳۵۴ خانواده دارای ناشنوا در استان‌های قم و مرکزی

چکیده

هدف: ناشنوا ای شایعترین نقص حسی عصبی در انسان است و از هر هزار کودک یک کودک با ناشنوا ای عمیق تا شدید بدنیا می‌آیند. مطالعات فراوانی نشان داده‌اند ناشنوا ای در ۵۰ درصد موارد علل ژنتیکی و در ۵۰ درصد باقیمانده علل محیطی و ناشناخته دارد. در این تحقیق، هدف بررسی علل ناشنوا ای در خانواده‌های مورد مطالعه بود تا راهکارهای مناسب جهت تشخیص و پیشگیری ارایه شود.

روش بررسی: پرسشنامه‌ها در مدارس و کانون‌های ناشنوا ایان و مجتمع‌های بهزیستی استان‌های قم و مرکزی توزیع و پس از تکمیل جمع آوری شد. اطلاعاتی چون سن، جنس، وضعیت شنوا ای کلیه افراد خانواده و بستگان، نوع ازدواج والدین، علت شناسی (ژنتیکی، محیطی) جمع آوری و با استفاده از نرم افزار SPSS اطلاعات بررسی شدند.

یافته‌های ۳۵۴ پرسشنامه حاوی اطلاعات کامل از خانواده‌های ناشنوا دار جمع آوری گردید میانگین سنی افراد ناشنوا مورد (Proband) $16 \pm 8/1$ سال بود. ۴۸/۴ و ۵۱/۶ درصد ناشنوا ایان به ترتیب دختر و پسر بودند. ۳/۵۹ درصد والدین دارای نسبت فامیلی، ۷/۳۶ درصد غریبه و ۴ درصد نسبت خود را معلوم نکرده بودند. میانگین تعداد ناشنوا در خانواده‌ها $1/4 \pm 1/8$ است. با بررسی پرسشنامه‌های تکمیل شده و شجره نامه‌ها، در ۹/۷۰ درصد موارد عامل ژنتیکی و در ۹ درصد موارد عامل محیطی و در ۱۰/۲ درصد عاملی برای ناشنوا ای شناخته شد.

نتیجه‌گیری: عامل ژنتیکی بالگوی توارثی اتوزوم مغلوب شایعترین عامل ناشنوا ای است و این بخاطر میزان بالای ازدواج فامیلی است که باعث شده سهم علل ژنتیکی در این جمعیت از ۵۰ درصد بیشتر شود. تعدد فرزندان عامل دیگر افزایش تعداد ناشنوا ایان در خانواده‌هایی است که زمینه ژنتیکی ناشنوا ای دارند. عامل محیطی و ناشناخته بعد از عامل ژنتیکی قرار دارد. با منع ازدواج های فامیلی، آموزش بهداشت، کنترل تعداد فرزندان و همینطور مشاوره ژنتیک بویژه برای خانواده‌های در معرض خطر می‌توان قدم‌های مهمی در زمینه کاهش تعداد ناشنوا ایان برداشت.

کلید واژه‌ها: ناشنوا ای / ازدواج فامیلی / علل ژنتیکی ناشنوا ای / علل محیطی ناشنوا ای.

* عبدالرحیم صادقی

دانشجوی دکتری ژنتیک ملکولی
دانشگاه تربیت مدرس

دکتر محمد حسین صنعتی

دکترای ژنتیک، دانشیار پژوهشگاه ملی
مهندسی ژنتیک و فن آوری زیستی

فاطمه استی

مربی پژوهشگاه ملی مهندسی ژنتیک
وفن آوری زیستی

دکتر مرتضی هاشم زاده چالشتری

دکترای ژنتیک، دانشیار مرکز تحقیقات
سلولی و ملکولی دانشگاه علوم پزشکی
شهر کرد

* E-mail: sadegha@nrcgeb.ac.ir



روش بررسی

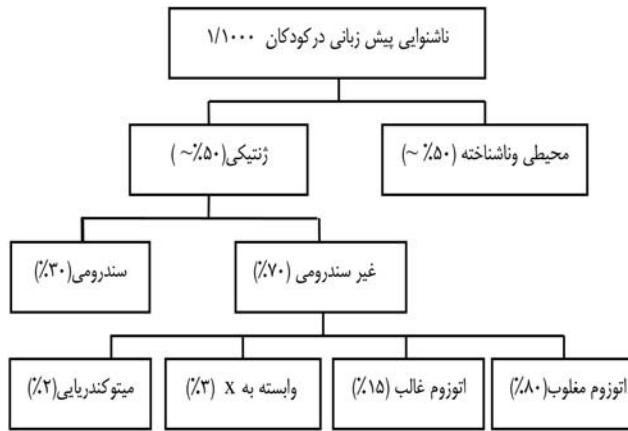
مطالعه بصورت توصیفی و گذشته نگر انجام شد. ۷۵۰ پرسشنامه در مدارس ناشنوایان، کانون ناشنوایان و مجتمع های بهزیستی استان های قم و مرکزی توزیع و پس از تکمیل توسط والدین جمع آوری شدند. پرسشنامه های ناقص و همینطور پرسشنامه های مربوط به اتباع بیگانه و تکراری حذف و در نهایت اطلاعات ۳۵۴ خانواده ناشنوا در به دست آمد. در این مطالعه عوامل مختلفی چون سن، جنس، تعداد فرزندان، وضعیت شناوری افراد خانواده و خویشاوند فرد ناشنوا، نوع ازدواج والدین، داشتن عارضه همراه، علت شناسی بیماری و الگوی توارثی در موارد وراثتی بررسی شدند. شجره نامه ها نیز برای بررسی نوع الگوی توارثی ترسیم شدند. نتایج از طریق نرم افزار SPSS مورد بررسی قرار گرفتند.

یافته ها

۳۵۴ پرسشنامه از خانواده های ایرانی دو استان مذکور مورد بررسی آماری قرار گرفتند. ۲۴۱ مورد ۶۸/۱ (درصد) مربوط به استان قم و ۱۱۳ مورد ۳۱/۹ (درصد) مربوط به استان مرکزی است. میانگین سنی افراد ناشنوا ۵۱/۶ ± ۸/۱ است. ۴۸/۴ و ۴۸/۱۶ از ۱۶/۱ ± ۸/۱ درصد ناشنوایان به ترتیب دختر و پسر بودند. جدول (۱) تعداد ناشنوا در شجره نامه ها را نشان می دهد. ۳۶/۷ درصد والدین دارای نسبت فامیلی، ۴۱/۸ درصد غریبه و ۴ درصد نسبت راگزارش نکردند. نسبت فامیلی والدین در درجه ۳ و در ۱۷/۵ درصد باقیمانده دورتر از درجه ۳ بود. با بررسی پرسشنامه ها و شجره نامه ها معلوم شد در ۷۰/۹ درصد موارد می توان عامل ژنتیکی و در ۲۰/۱ درصد موارد علت ناشناخته و در ۹ درصد باقیمانده علت محیطی را در نظر گرفت. مبنای ژنتیکی به این صورت در نظر گرفته شد که اگر ناشنوا در خانواده یا افراد خویشاوند تکرار شود ناشنوا ی ژنتیکی است و با بررسی شجره نامه، نوع الگوی توارثی تعیین شد. در خانواده هایی که یک ناشنوا وجود داشت و پدر و مادر خویشاوند بودند و علت محیطی هم ذکر نشده بود علت ژنتیکی در نظر گرفته شد. ناشنوا ی در خانواده های با یک ناشنوا و ازدواج غریبه والدین بدون ذکر علت خاص با علت ناشناخته در نظر گرفته شد. الگوی توارثی در مواردی که ناشنوا ی ژنتیکی بود ۹۴/۳ درصد بصورت اتوزوم مغلوب، ۲/۸۲ درصد بصورت اتوزوم غالب یا مغلوب، ۰/۵۵ درصد بصورت اتوزوم مغلوب یا وابسته به x ، ۸۵/۰ درصد بصورت اتوزوم غالب، ۰/۴۲ درصد بصورت میتوکندریالی یا اتوزوم غالب بود. لازم به ذکر است با توجه به ویژگی های الگوهای توارثی و تعداد محدود ناشنوا در برخی خانواده ها، دو الگوی وراثتی (برای مثال اتوزوم غالب یا وابسته به x) در نظر گرفته

مقدمه

ناشنوا ی شایعترین نقص حسی عصبی در انسان است و از هر هزار کودک یک کودک با ناشنوا ی عمیق تا شدید بدینا می آید (۱، ۲، ۳). بیشترین نقص شناوری در کودکان آسیایی و ۲/۶ در هر ۱۰۰ تولد گزارش شده است و در مورد کودکان غیر آسیایی ۰/۷ تولد گزارش شده است (۳). متأسفانه آمار دقیقی از میزان ناشنوا ی و سهم علل مختلف در کشور ما موجود نیست و ظاهراً رتبه دوم را بعد از عقب ماندگی ذهنی دارد (۴). شیوع نقص شناوری در فرزندان حاصل از ازدواج فامیلی ۱۲/۹ درصد گزارش شده است (۵، ۶). علل محیطی و ژنتیکی هر کدام سهم حدود ۵۰ درصدی در ناشنوا ی دارند. ناشنوا ی ژنتیکی به دو دسته سندرومی و غیر سندرومی تقسیم می شود (۶، ۷). در نوع سندرومی، ناشنوا ی از نوع انتقالی (Conductive hearing loss) است و با اختلالات دیگر در بدن همراه است و شامل ۳۰ درصد موارد می شود. در نوع غیر سندرومی، که ناشنوا ی از نوع حسی عصبی (hearing loss) است تنها ناشنوا ی وجود دارد و شامل ۷۰ درصد موارد (Sensorineural) می شود. نوع غیر سندرومی به انواع مختلف اتوزومی، وابسته به x و میتوکندریالی تقسیم می شود (شکل ۱). تاکنون بیش از ۱۲۰ جایگاه ژئو در سراسر جهان و همینطور نزدیک به ۴۰ زن در این جایگاهها شناسایی شده اند که اختلال یا جهش در آنها همراه با ناشنوا ی است که نوع و فراوانی جهش ها در جمعیت های مختلف متفاوت است (۸، ۹). عوامل محیطی مختلفی چون عفونتها، داروهای اتو توکسیک، تروما و... نیز شناسایی شده اند (۱۰، ۱۱). در این مطالعه هدف این است که تا حد امکان علل مختلف ناشنوا ی و همینطور الگوهای توارثی را در جمعیت مورد هدف بررسی کنیم.



شکل ۱ - علل مختلف ناشنوا ی



شد. در ۱/۱ درصد موارد برای ناشنوای عارضه همراه ذکر شده بود که هماهنگ با سندروم خاصی نبود.
جدول ۱ - تعداد، فراوانی و درصد ناشنوایان در حداقل چهار نسل

تعداد ناشنوا	۱	۲	۳	۴	۵	۶	۷	۸	۹	۱۰	۱۱	۱۲	۱۳	جمع
فراوانی	۲۱۰	۸۴	۳۳	۱۱	۸	۰	۳	۲	۱	۰	۱	۰	۱	۳۵۴
درصد	۵۹/۳	۲۳/۷	۳/۹	۱/۳	۲/۳	۰/۰	۰/۸	۰/۶	۰/۳	۰/۰	۰/۳	۰/۰	۰/۳	۱۰۰

بحث

شیوع نقص شنوایی در فرزندان حاصل از ازدواج فامیلی در ۱۲/۹ در ۱۰۰۰ تولد گزارش شده است(۳). از نکات قابل توجه در نتایج ما، میزان بالای ازدواج فامیلی والدین افراد ناشنواست که حدود دو برابر ازدواج فامیلی در جمعیت ایران است. میزان ازدواج فامیلی در نقاط مختلف کشور متفاوت و بطور میانگین ۳/۳۷ درصد و بیشتر از نوع درجه سه و در رونتها بیشتر از شهرها گزارش شده است(۱۳).

همانطوریکه تحقیقات نشان داده است با ازدواج فامیلی احتمال بروز بیماریهای اتوزوم مغلوب چند برابر می شود و این بدلیل ژنهای نهفته معمیوب مشترک است. در این مطالعه ۵۹/۳ درصد والدین ازدواج فامیلی دارند. درسه مطالعه از عربستان، ۴۷، ۴۵ و ۴۱ درصد از والدین افراد ناشنوا ازدواج فامیلی داشته‌اند(۶). در مطالعه‌ای در لبنان در ۵۱/۸۲ درصد موارد علت ژنتیکی در نظر گرفته شده است که علت برای ۲۵/۲ درصد موارد ناشنوای ازدواج فامیلی والدین قلمداد شده است(۱).

همانطوریکه در مقدمه گفته شد عمدۀ ناشنوای‌های غیرسندرومی از دسته اتوزوم مغلوب می‌باشد در این مطالعه الگوی توارشی اتوزوم مغلوب، ۹۴/۳ درصد موارد ژنتیکی را شامل می‌شود. الگویی که در ازدواج‌های فامیلی بعلت داشتن ژن معمیوب از جد مشترک مشاهده می‌شود. ناشنوای‌های اتوزوم غالب، توارث عمودی دارند و در همه نسلها دیده می‌شوند. امانع مغلوب معمولاً با ازدواج فامیلی بروز می‌کند و والدین اغلب سالم هستند. ناشنوای‌های از نوع غالب معمولاً پس زبانی بروز می‌کنند در حالیکه نوع مغلوب بصورت پیش زبانی است. همه علتهای ناشنوای شناسایی نشده‌اند(۹، ۱۱). در این مطالعه در ۹ درصد موارد علت محيطی و در ۲۰/۱ درصد عوامل ناشناخته مطرح است. در مطالعه‌هایی در استرالیا و عربستان بترتیب در ۴۳ و ۱۵ درصد موارد، علت ناشنوای ناشناخته مانده است(۱۵، ۹). قابل ذکر است که چون علل ژنتیکی و محیطی ناشنوای بسیار پیچیده می‌باشد، همه ژن‌ها و جهش‌های درگیر و همینطور همه علل محیطی شناخته نشده‌اند و تحقیقات گسترده در این زمینه در جهان ادامه دارد.

ناشنوای طیف گسترده‌ای از علل ژنتیکی و محیطی و ناشناخته دارد. نوع و سهم هریک از علل درکشورهای مختلف متفاوت است و نیاز به شناسایی دارند. شیوع ناشنوای درکشورهای در حال توسعه به خاطر هردوعلت ژنتیکی و محیطی بیشتر است. بعبارت دیگر میزان شیوع ناشنوای به عوامل ذخایر ژنی(Gene pool) و فرهنگی و بهداشتی بستگی دارد که در جمعیت‌های مختلف متفاوت است. در این مطالعه، تنها ۱/۱ درصد موارد علایم دیگری بجز ناشنوای را ذکر کرده بودند که اگر ناشنوای آنها را از دسته سندرومی در نظر بگیریم نسبت به آمار ۲۰ تا ۳۰ درصدی (۹، ۸، ۷) بسیار کم است و علت آن می‌تواند تا حدی عدم توجه والدین به مشکلاتی همچون پوستی، کلیوی، تیروئیدی و ... که از نشانه‌های موارد سندرومی ناشنوای است در فرزندانشان باشد. آمار بیشتر ناشنوایان استان قم در این مطالعه می‌تواند ناشی از مرکز جمعیت استان و مدارس ناشنوایان در شهر قم باشد در حالیکه جمعیت استان مرکزی در بیش از ۱۰ شهرستان پراکنده و پرسنلهای استان مرکزی هم بطور عمدۀ مربوط به شهر اراک است. متاسفانه به آمار دقیقی از جمعیت ناشنوا و نیمه شنوا کشور و از جمله این دو استان دسترسی پیدا نکردیم. با توجه به برآورد جمعیتی مرکز آمار ایران (۱۲)، جمعیت استانهای قم و مرکزی برای سال ۱۳۸۴ به ترتیب ۱۰۶۴۴۵۶ و ۱۳۶۱۳۹۴ نفر می‌باشد و اگر بپذیریم که شیوع ناشنوای درکشور ما همانند شیوع جهانی و ۳ درصد باشد ۳۱۹۳۳ و ۴۰۸۴۱ ناشنوا به ترتیب در استانهای قم و مرکزی وجود دارد که به نظر می‌رسد به دلیل شیوع ازدواج فامیلی و تعدد فرزندان بیش از این باشد. بر اساس اطلاعات سازمان آموزش و پرورش استثنائی، ناشنوای رتبه دوم بعد از ناتوانی ذهنی جسمی را دارد(۴). در این مطالعه میزان ناشنوای ژنتیکی بیشتر از ۵۰ درصد و ۷۰/۹ درصد گزارش شد که این می‌تواند به علت میزان بالای ازدواج فامیلی در جمعیت مورد مطالعه نسبت به جمعیت‌های دیگر از جمله اروپا و امریکا باشد. بدلاًیل مختلف شیوع ناشنوای درکشورهای آسیایی، آفریقایی و امریکای لاتین فراوانتر است(۵). در یک مطالعه



منابع:

- 1-Tabchi B, et al., Epidemiology of profound neurosensory deafness in Lebanese children, J Med Liban, 2000; 48(5):294-7.
- 2-Parving A, Hauch AM., Christensen B., Hearing loss in children-epidemiology, age at identification and causes through 30 years, Ugeskr Laeger, 2003; 165(6):574-9.
- 3- Martini A, et al., Genetic and hearing impairment, Whurr Publishes Ltd, 1996.
- 4-Http://www.seo.medu.ir.
- 5-Zakzouk S., Consanguinity and hearing impairment in developing countries: a custom to be discouraged, J Laryngol Otol, 2002; 116(10):811-6.
- 6- Fageeh NA., Prospective study of hearing loss in schools for deaf children in Assir region, Saudi Arabia. West Afr J Med, 2003; 22(4):321-3.
- 7- Gurtler N, Lalwani AK., Etiology of syndromic and non-syndromic sensorineural hearing loss. Otolaryngol Clin; North Am, 2002; 35(4):891-908.
- 8- Guyton AC., Metical physiology, vol 2, 8th Edition.
- 9-Http://webhost.ua.ac.be/hhh.
- 10-Http://davinci.crg.es/deafness.
- 11-Http://library.gallaudet.edu/dr/faq-etiol.html
- 12-Http://www.sci.org.ir.
- 13-Farhud DD, Kamali M.S, Marzban M, Andonian L, Safari R., Consanguinity in Iran ,Iranian J Pupl Health, 1991; 20:1-14.
- 14- Deben K, et al., Epidemiology of hearing impairment at three Flemish Institutes for Deaf and Speech Defective Children. Int J Pediatr Otorhinolaryngol. 2003; 67(9):969-75.
- 15- Russ S.A, et al., Epidemiology of congenital hearing loss in Victoria, Australia. Int J Audiol. 2003; 42(7):385-90.

نکته‌ای که باید در کنار ازدواج فامیلی عنوان یک علت شیوع ناشنوایی در نظر گرفت تعدد فرزندان در این خانواده‌ها است، بطوریکه مشاهده می‌شود چند ناشنوا در یک خانواده وجود دارد و گاه برای رسیدن به حداقل یک فرزند شنوا چنین شده است.

نتیجه‌گیری

آنچه مسلم است چنانچه سطح بهداشت جامعه بالاتر رود از میزان شیوع ناشنوایی‌های محیطی کاسته خواهد شد. ناشنوایی ژنتیکی نیز با لحاظ چند مسئله می‌تواند کنترل شود اول با فرهنگ سازی برای منع ازدواج‌های فامیلی و تعدد فرزندان. دوم مشاوره ژنتیک و مسئله پیشگیری بخصوص برای خانواده‌های پرخطر. خوبشخانه در دهه اخیر پیشرفت‌های قابل توجه در فهم مکانیسم‌های ملکولی و شناسایی عامل‌های ناشنوایی ژنتیکی بدست آمده است و مطالعات نشان داده که نوع و فراوانی جهش‌های ایران از کشورهای اروپایی و امریکایی متفاوت است و این تحقیقات مقدمه شناسایی و پیشگیری ناشنوایی‌های ژنتیکی خواهند شد.

تشکر و قدردانی

از ناشنوايان و خانواده‌های آنها، مدیران مدارس ناشنوايان ولايت، بلال حبشي، فاطمه زهراء(س)، ابابصير، باعچه بان، امام على(ع)، کانون‌های ناشنوايان و مجتمع‌های بهزیستی استان‌های قم و مرکزی بخاطر همکاري خوبشان تشکر می‌کنیم.